

Título: Traducción y comentarios sobre el artículo "Identification of molecular targets in vulvar cancers"

Nombre revisor: María Bordés Infantes. Hospital Universitario Infanta Elena

1. - Artículo Original:

Palisoul ML, Mullen MM, Feldman R, Thaker PH. Identification of molecular targets in vulvar cancers. Gynecol Oncol 2017 Aug;146(2):305-313.

PMID: 28536037

2.- Resumen del Artículo:

Objetivo:

Identificar alteraciones moleculares que contribuyan a la patogénesis del cáncer vulvar con la intención de identificar dianas moleculares para el tratamiento.

Método:

Después de un análisis retrospectivo de una base de datos de pacientes con cáncer ginecológico con perfil molecular, 149 pacientes con cáncer de vulva se incluyeron y se sometieron a examen central en un laboratorio CLIA (Caris Life Sciences, Phoenix, AZ). Las pruebas incluyeron uno o más de los siguientes: secuenciación de genes (Sanger o secuencia de próxima generación [NGS]), expresión de proteínas (inmunohistoquímica [IHC]), y amplificación de genes (FISH). Se utilizó el test de Fisher siendo un valor de $p \leq 0,05$ estadísticamente significativo.

Resultados:

La mediana de edad fue de 65 años. El 85% presentó un carcinoma de células escamosas (SCC) y 15% de adenocarcinoma (ADC). El 46% tenían

enfermedad metastásica (estadio IV). Se identificaron variantes moleculares en los siguientes genes:

- TP53 (33%),
- PIK3CA / BRCA2 (8%, 10% respectivamente)
- HRAS / FBXW7 (5%, 4%, respectivamente)
- ERBB4 / GNAS (3% , 3% respectivamente)

También se identificaron mutaciones en AKT1, ATM, FGFR2, KRAS, NRAS (n = 1, respectivamente) y BRAF (n = 2).

Los cambios específicos de proteínas para los genes identificados incluyeron mutaciones clínicamente patógenas encontradas frecuentemente en otros cánceres (por ejemplo PIK3CA: exón 9 [E545K], RAS: G13D, Q61L, BRCA2: S1667X, BRAF: R443T, FBXW7: E471fs, etc.).

Los objetivos de fármacos identificados por las metodologías IHC e FISH incluyen cMET (32% IHC, 2% ISH), PDL1 (18%), PTEN (56%), HER2 (4% IHC, 2% ISH) y receptores hormonales: RE, 11%, RP, 4%).

Cuando se comparó entre las dos histologías (escamoso y adenocarcinoma) se identificaron diferencias estadísticamente significativas en receptores androgénicos (RA), receptores estrogénicos (RE), HER2 y GNAS con una mayor presencia en ADC (valores $p < 0,05$).

3.- Comentario:

La medicina de precisión a través de dianas moleculares (terapia dirigida) podría proporcionar a las pacientes con cáncer de vulva alternativas en su tratamiento.